



**Política para la aplicación del Tabulador de Cuotas de Recuperación del INMEGEN autorizado
mediante Oficio No. DGPYP 1997-2024
Servicios de Investigación, Clínicos, Desarrollo Tecnológico, Consultoría y Enseñanza**

| | |
|----------|--|
| 1 | La presente Política establece cuatro Niveles tarifarios o de cuotas del Tabulador para todos los servicios. |
| 2 | La tarifa o cuota de cada Nivel del servicio se fundamenta en la suma de: a) costos variables, son los insumos adquiridos en moneda nacional y/o extranjera; b) costos fijos, son los costos asociados a la nómina y a los costos de equipo y mantenimiento. El costo del equipo considera el 20% de la depreciación anual como el costo de <i>Equipo e Instrumental Médico y de Laboratorio</i> , de acuerdo a los parámetros de vida útil publicados en el DOF el día 15 de agosto de 2012. |
| 3 | Aquellos servicios cuyos insumos se adquieran en moneda extranjera (USD, EURO u otro) mediante compra o adjudicación directa, contrato abierto y licitación, serán ajustados en su Nivel tarifario al tipo de cambio (TC) publicado por BANXICO en el DOF, para solventar obligaciones denominadas en moneda extranjera pagaderas en la República Mexicana al día hábil de la cotización y/o facturación del servicio, en situaciones de aumento abrupto del TC. |
| 4 | El cálculo tarifario de los Niveles para los servicios de investigación, clínicos, desarrollo tecnológico, consultoría y enseñanza se define como: Nivel 1: 100% de los Costos (fijos y variables) Nivel 2: 100% de los Costos (fijos y variables) más 25% de margen de utilidad Nivel 3: 100% de los Costos (fijos y variables) más 50% de margen de utilidad Nivel 4: 100% de los Costos (fijos y variables) más 75% de margen de utilidad La cuota del Nivel 1 comprende la suma de los costos variables y costos fijos sin adicionar un margen de utilidad para el INMEGEN. |
| 5 | Aplicación de los Niveles tarifarios o cuotas de los servicios que conforman el Tabulador de Cuotas de Recuperación del INMEGEN 2024 conforme a las siguientes políticas específicas: Anexo I. Política específica de servicios de investigación, consultoría y desarrollo tecnológico. Anexo II. Política específica de servicios clínicos. Anexo III. Política específica de servicios de la Dirección de Enseñanza y Divulgación (DED). |
| 6 | Las excepciones que se puedan presentar respecto a la aplicación de la presente política se resolverán atendiendo a lo establecido en las políticas específicas del Anexo I, Anexo II y Anexo III correspondientes en cada rubro. |



ANEXO I POLÍTICA ESPECÍFICA DE SERVICIOS DE INVESTIGACIÓN, DESARROLLO TECNOLÓGICO Y CONSULTORÍA

La presente política específica de los servicios de investigación, servicios de desarrollo tecnológico y servicios de consultoría es una guía para la asignación de los Niveles del Tabulador de Cuotas de Recuperación del INMEGEN (**Tabulador en adelante**), aplicable a cada servicio solicitado por las personas usuarias.

Esta política específica es de aplicación a los **servicios de investigación** comprendidos en la **Sección A del Tabulador** con las claves de departamento en el rango 1 a 188, los cuales son realizados por las unidades y laboratorios del INMEGEN: Unidad de Secuenciación (Usec), Laboratorio Covid19 (Usec L-Covid19), Unidad de Microarreglos (UMi), Laboratorio de Histología y Microscopía (LHiM), Unidad de Proteómica (UPro), Unidad de Citometría de flujo (UCiF) y Laboratorio de Extracción Masiva de Ácidos Nucleicos (LEMAN); a los **servicios de desarrollo tecnológico** comprendidos en la **Sección C del Tabulador** con claves de departamento en el rango 343 a 357, realizados por las áreas: Subdirección de Secuenciación y Genotipificación (SSG), Subdirección de Bioinformática (SB), Subdirección de Análisis de Expresión (SAE); y a los **servicios de consultoría de la Sección D del Tabulador** con claves de departamento en el rango 358 a 369, realizados por la Dirección de Investigación (DI) y la Dirección de Vinculación y Desarrollo Institucional (DVIDI).

La correcta aplicación de esta política específica considera el cumplimiento del siguiente clausulado:

1. La cuota del Nivel 1 para los servicios de investigación, servicios de desarrollo tecnológico y servicios de consultoría, se aplicará únicamente a servicios solicitados por la comunidad del INMEGEN o por las instituciones de salud, universidades y centros de investigación, todos los anteriores de carácter público en México.

Se entiende por comunidad INMEGEN al **personal contratado** con carácter de servidor público por el Instituto.

2. La asignación de los Niveles de cuotas 2, 3 y 4 para los servicios de investigación, servicios de desarrollo tecnológico y servicios de consultoría, solicitados por cualquier usuario diferente a los establecidos en la cláusula 1 de la presente política específica, dependerá del volumen (cantidad) de servicios solicitados por cada clave de servicio indicada en la cotización correspondiente.

El Nivel 2 corresponderá a solicitudes con un volumen alto de servicios, el Nivel 3 a solicitudes con un volumen medio de servicios y el Nivel 4 a solicitudes con un volumen bajo de servicios.

3. La persona usuaria deberá indicar al momento de solicitar la cotización del servicio o los servicios requeridos, quien será la persona física o moral encargada de cubrir el pago y deberá proporcionar los datos fiscales para la facturación. La cantidad de servicios por clave de servicio descrita en la cotización se empleará para generar el CFDI correspondiente.

4. En caso de existir un contrato o convenio vigente asociado con la prestación de servicios de investigación, servicios de desarrollo tecnológico y/o servicios de consultoría el nivel del servicio se ajustará a lo que se establezca en el clausulado de dicho contrato o convenio.

A continuación, se enlistan los servicios de investigación, servicios de desarrollo tecnológico y servicios de consultoría por el acrónimo del departamento (Depto.), clave del departamento (Clave del Depto.) y la denominación del servicio del Tabulador, con el rango de volumen a considerar por cada servicio para la asignación de los Niveles 2, 3 y 4.

ANEXO I

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------------------------------------|------------------|--|----------------------|-----------------------|----------------------|
| A. SERVICIOS DE INVESTIGACIÓN | | | | | |
| Usec | 1 | Secuenciación Capilar, por reacción | 45 o más | De 11 a 44 | Hasta 10 |
| Usec | 2 | Secuenciación Capilar directa, por reacción | 45 o más | De 11 a 44 | Hasta 10 |
| Usec | 3 | Lectura de Fluorescencia Capilar, por reacción | 45 o más | De 11 a 44 | Hasta 10 |



ANEXO I

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|--|----------------------|-----------------------|----------------------|
| Usec | 4 | Microsatélites, por reacción | 45 o más | De 11 a 44 | Hasta 10 |
| Usec | 5 | Cuantificación ácidos nucleicos RNasa P, por reacción | 150 o más | 21 a 149 | Hasta 20 |
| Usec | 6 | Cuantificación de ácidos nucleicos, fluorímetro, por reacción | 150 o más | 21 a 149 | Hasta 20 |
| Usec | 7 | Enriquecimiento exoma, por muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 8 | Elaboración de Biblioteca (AmpliSeq), por pool | 60 o más | 11 a 59 | Hasta 10 |
| Usec | 9 | Elaboración biblioteca IT, por muestra | 60 o más | 11 a 59 | Hasta 10 |
| Usec | 10 | Elaboración biblioteca DNA Pane | 60 o más | 11 a 59 | Hasta 10 |
| Usec | 11 | Elaboración biblioteca DNA Nano | 60 o más | 11 a 59 | Hasta 10 |
| Usec | 12 | Elaboración biblioteca DNA Exom | 60 o más | 11 a 59 | Hasta 10 |
| Usec | 13 | Elaboración biblioteca DNA Next | 60 o más | 11 a 59 | Hasta 10 |
| Usec | 14 | Elaboración biblioteca RNA Tot | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| Usec | 15 | Elaboración biblioteca mRNA | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| Usec | 16 | Elaboración biblioteca smallRNA | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| Usec | 17 | Elaboración biblioteca SCx4 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 18 | Electroforesis automatizada por chip (Control de calidad biomoléculas) | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 19 | Cuantificación de biblioteca IT, por reacción | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 20 | Cuantificación de biblioteca Kappa, por reacción | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 21 | Amplificación clonal mediante ePCR, por ensayo | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 22 | Secuenciación mediante semiconductor, por chip | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 23 | Procesamiento Semiconductor 314, por chip | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 24 | Procesamiento Semiconductor 316, por chip | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 25 | Procesamiento Semiconductor 318, por chip | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 26 | Procesamiento Haloplex, 12 rnx | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 27 | Purificación por AmpureBeads, por reacción | 200 o más | 31 a 199 | Hasta 30 |
| Usec | 28 | Procesamiento Amplicones std | 200 o más | 31 a 199 | Hasta 30 |
| Usec | 29 | Procesamiento Amplicones index | 200 o más | 31 a 199 | Hasta 30 |
| Usec | 30 | Cargado NextSeq, por chip | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 31 | Cargado MiSeq, por chip | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 32 | Secuenciación por síntesis NextSeq 76 Ciclos HO | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 33 | Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos MO | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 34 | Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos HO | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 35 | Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos MO | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 36 | Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos HO | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 37 | Sec por Sintesis MinS 300 MO | 3 o más | 2 | 1 |



ANEXO I

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|---|----------------------|-----------------------|----------------------|
| Usec | 38 | Sec por Síntesis MinS 76 HO | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 39 | Sec por Síntesis MinS 150 HO | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 40 | Sec por Síntesis MinS 300 HO | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 41 | Secuenciación por síntesis MiSeq 600 Ciclos | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 42 | Secuenciación por síntesis MiSeq 300 Ciclos | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 43 | Secuenciación por síntesis MiSeq 500 Ciclos | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 44 | Secuenciación por síntesis MiSeq 150 Ciclos | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 45 | Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 300 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 46 | Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 500 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 47 | Cargado NextSeq 2000, por chip | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 48 | Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P1 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 49 | Secuenciación por síntesis NextSeq 100 Ciclos P2 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 50 | Secuenciación por síntesis NextSeq 200 Ciclos P2 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 51 | Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P2 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 52 | Secuenciación por síntesis NextSeq 100 Ciclos P3 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 53 | Secuenciación por síntesis NextSeq 200 Ciclos P3 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 54 | Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P3 | 3 o más | 2 | 1 |
| Usec | 55 | Secuenciación de variantes de SARS-CoV-2, por muestra | 97 a 384 | 49 a 96 | Hasta 48 |
| Usec | 56 | Extracción RNA mediante perlas magnéticas | 301 o más | 96 a 300 | Hasta 95 |
| Usec | 57 | Ensayo de detección COVID19 rT-PCR Protocolo 2 (3 regiones genómicas) | 552 o más | 184 a 551 | Hasta 183 |
| Usec | 58 | Prueba de diagnóstico COVID19 | 552 o más | 184 a 551 | Hasta 183 |
| Usec | 59 | Prueba serológica de detección de anticuerpos para SARS-CoV-2 IgG/IgM | 30 o más | 10 a 29 | Hasta 9 |
| Usec | 60 | Prueba rápida para detección de antígeno COVID19 | 7 o más | 4 a 6 | Hasta 3 |
| Usec | 61 | Toma de muestra in situ, hisopado nasofaríngeo y saliva Prueba COVID19 (Por visita y hasta 50 muestras) | 1 o más | | |
| Usec | 62 | Capacitación en la toma de muestra y embalaje para Prueba COVID19 (Por sesión) | 1 o más | | |
| Usec | 63 | Cuantificación de carga viral | 25 o más | 13 a 24 | Hasta 12 |
| Usec | 64 | Detección 3 en 1 de Covid-19, Flu AB y RSV | 558 o más | 186 a 557 | Hasta 185 |
| Usec | 65 | Detección de patógenos virales (16 patógenos) | 17 o más | 11 a 16 | Hasta 10 |
| Usec | 66 | Prueba de diagnóstico MPOX Protocolo Genes2Life | 6 o más | 3 a 5 | Hasta 2 |
| UMi | 67 | Genotipificación genoma completo PI, por muestra | 145 o más | 49 a 144 | Hasta 48 |
| UMi | 68 | Epigenómica PI, por muestra | 145 o más | 49 a 144 | Hasta 48 |
| UMi | 69 | Genotipificación panel general PI, por muestra | 145 o más | 49 a 144 | Hasta 48 |
| UMi | 70 | Genotipificación panel ligamiento PI, por muestra | 145 o más | 49 a 144 | Hasta 48 |



ANEXO I

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|---|----------------------|-----------------------|----------------------|
| UMi | 71 | Control de calidad de biomoléculas PAg Bioanalizador, 12 muestras | 6 o más | 3 a 5 | Hasta 2 |
| UMi | 72 | Genotipificación genoma completo PA, por muestra | 145 o más | 49 a 144 | Hasta 48 |
| UMi | 73 | Expresión transcriptoma completo PA, por muestra | 25 o más | 7 a 24 | Hasta 16 |
| UMi | 74 | Expresión miRNA PA, por muestra | 33 o más | 17 a 32 | Hasta 16 |
| UMi | 75 | Citogenética molecular PA, por muestra | 25 o más | 17 a 24 | Hasta 16 |
| UMi | 76 | Control de calidad de biomoléculas PAg TapeStation, por muestra | 50 o más | 11 a 49 | Hasta 10 |
| UMi | 77 | Genotipificación Genoma completo LCG PI (muestra) | 145 o más | 49 a 144 | Hasta 48 |
| UMi | 78 | Control de Calidad para DNA (muestra) | 97 o más | 49 a 96 | Hasta 48 |
| UMi | 79 | Control de calidad de biomoléculas PBo Qsep100, por muestra | 50 o más | 11 a 49 | Hasta 10 |
| UMi | 80 | Escaneo PI (Laminilla) | 9 o más | 5 a 8 | Hasta 4 |
| LHiM | 81 | T. HE | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 82 | IHQ con abs | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 83 | IHQ sin abs | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 84 | Corte NL | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 85 | Corte congelación | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 86 | In_reinclusión | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 87 | IF con abs | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 88 | IF sin abs | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 89 | Fotomicrografía campo claro | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 90 | TMA | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 91 | P. compl. c/formalina | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 92 | T. Masson | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 93 | T. Perls | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 94 | T. PAS | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 95 | T. Retículo | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 96 | T. A. Alciano | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 97 | T. DAPI | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 98 | T. Texas red faloidina | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 99 | T. Alexa 488 faloidina | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 100 | T. Mitotracker red | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 101 | T. Naranja acridina | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 102 | T. Luxol Fast Blue | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 103 | Corte electrocargada | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 104 | Corte polylysina | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |



ANEXO I

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|----------------------------------|----------------------|-----------------------|----------------------|
| LHiM | 105 | Montaje IF | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 106 | Montaje IHQ, HQ | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 107 | Procesamiento múltiple | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 108 | M. Luz con cámara | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 109 | Punch | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 110 | T. R. oleoso | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 111 | T. R. congo | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 112 | M. Fluorescencia (1 min) | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 113 | Rehidratación PBS | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 114 | Rehidratación AD | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 115 | Corte extracción | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 116 | P. células F | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 117 | P. células SF | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 118 | P. compl. S/F | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 119 | Análisis L 1 min | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 120 | E. celularidad neoplásica | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 121 | Corte SL | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 122 | Contratinción | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 123 | Rev. DAB | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 124 | T. DAPI-RP | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 125 | P. compl. SC. SF | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 126 | Corte cong. SL | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 127 | Corte cong. Poly | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 128 | Corte cong. Electrocargada | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 129 | Corte cong. R | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 130 | Descalcificación | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 131 | Corte L. NL-R | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 132 | Corte L. P-R | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 133 | Corte L. E-R | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 134 | IHQ. Sist. Detección-R | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 135 | Fijación. Foramalina-R | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 136 | Fijación. Paraformaldehído 4%-RP | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 137 | Montaje R. | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 138 | Montaje I. | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 139 | Básicos HQ | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 140 | Criostato por min | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |



ANEXO I

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|--|----------------------|-----------------------|----------------------|
| LHiM | 141 | IHQ para diagnóstico | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 142 | Bloque corte y tinción para diagnóstico | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 143 | Procesamiento corte tinción para diagnóstico | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 144 | IHQ con diagnóstico | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 145 | Bloque corte y tinción con diagnóstico | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| LHiM | 146 | Procesamiento corte tinción con diagnóstico | 30 o más | 6 a 29 | Hasta 5 |
| UPro | 147 | Gel 1D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 148 | Gel 1D 7cm Coomassie (sin BE) (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor; no incluye buffer de extracción para 2D) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 149 | Lowry modificado (1x duplicado) (cantidad: 1 muestra más una réplica) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 150 | 2D Quant kit (Curva estándar y una muestra más una réplica) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 151 | Depleción de Albúmina-IgGs (cantidad: 1 muestra de 150 µl de suero, plasma o extracto proteico de biopsia) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 152 | IEF 7 cm pH 3-10 (cantidad: 1 tira; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 153 | IEF 7 cm pH 3-10NL, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 154 | IEF 18 cm pH 3-10NL (cantidad: 1 tira; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 155 | IEF 24 cm pH 3-10, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 156 | Gel 2D 7 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 157 | Gel 2D 7 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 158 | Gel 2D 7 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 159 | Gel 2D 13 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 160 | Gel 2D 13 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 161 | Gel 2D 13 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 162 | Gel 2D 18 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 163 | Gel 2D 18 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 164 | Gel 2D 18 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 165 | Gel 2D 24 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 166 | Gel 2D 24 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |



ANEXO I

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|---|------------------|---|----------------------|-----------------------|----------------------|
| UPro | 167 | Gel 2D 24 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 168 | Comparación geles 2D | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 169 | DIGE: 2D 24cm CyDye Min | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 170 | DIGE: 2D 24cm CyDye Sat | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 171 | Comparación geles DIGE | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 172 | MS Metabólica | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 173 | Omnisec | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 174 | Digestión de banda 1D | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 175 | Digestión en spot | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 176 | Digestión en solución con limpieza de péptidos 50µg | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UPro | 177 | Digestión en solución sin limpieza de péptidos 50µg | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UCiF | 178 | Lectura FACSARIA | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UCiF | 179 | Separación Celular inicialización | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UCiF | 180 | Perlas de Compensación | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UCiF | 181 | Uso reactivo / CYCLETEST PLUS DNA REAGENT KIT (1 test) | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UCiF | 182 | Single Cell Viabilidad | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UCiF | 183 | Lectura ATTUNE | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UCiF | 184 | Anexina V | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| UCiF | 185 | Viabilidad Celular | 20 o más | 6 a 19 | Hasta 5 |
| LEMAN | 186 | Extracción de DNA de sangre de 400 µl en placa de 96 con cuantificación Qubit, por muestra | 92 o más | 25 a 91 | 1 a 24 |
| LEMAN | 187 | Extracción de DNA de sangre de 500 µl a 2 ml en placa de 24, por muestra | 22 o más | 6 a 21 | 1 a 5 |
| LEMAN | 188 | Extracción de DNA de sangre de 400 µl en placa de 96 con cuantificación NanoDrop, por muestra | 92 o más | 25 a 91 | 1 a 24 |
| C. SERVICIOS DE DESARROLLO TECNOLÓGICO | | | | | |
| SSG | 343 | Consultor Bioingeniería (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| SSG | 344 | Verificación volumétrica y ajuste de pipeta monocanal (x pipeta) | 15 o más | 6 a 14 | Hasta 5 |
| SSG | 345 | Verificación volumétrica y ajuste de pipeta multicanal (x pipeta) | 15 o más | 6 a 14 | Hasta 5 |
| SSG | 346 | Sistema de medición de red fría (por sensor) | 16 o más | 5 a 15 | Hasta 4 |
| SSG | 347 | Monitoreo de red fría (x hora) | 16 o más | 5 a 15 | Hasta 4 |
| SB | 348 | Consultor Bioinformático Junior (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| SB | 349 | Consultor Bioinformático Senior (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| SB | 350 | Servicios de alta demanda o recurrentes (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| SB | 351 | Servicio especializado (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |



ANEXO I

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|------------------------------------|------------------|--|----------------------|-----------------------|----------------------|
| SB | 352 | Análisis on premise (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| SAE | 353 | Desarrollo de Software Senior (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| SAE | 354 | Desarrollo de Software Junior (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| SAE | 355 | Mantenimiento de Aplicativo (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| SAE | 356 | Consultoría de Desarrollo de Software Senior (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| SAE | 357 | Consultoría de Desarrollo de Software Junior (x hora) | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| D. SERVICIOS DE CONSULTORÍA | | | | | |
| DI | 358 | Senior Científica, por hora | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| DI | 359 | Junior Científica, por hora | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| DVDI | 360 | Consultoría en gestión y transferencia de tecnología, por hora | 60 o más | 17 a 59 | Hasta 16 |
| DVDI | 361 | Análisis de patentabilidad de resultados de Investigación | 3 o más | 2 | 1 |
| DVDI | 362 | Análisis tecnológico comercial de resultados de investigación | 3 o más | 2 | 1 |
| DVDI | 363 | Redacción de solicitud de patente | 3 o más | 2 | 1 |
| DVDI | 364 | Redacción de solicitud de modelo de utilidad | 3 o más | 2 | 1 |
| DVDI | 365 | Vigilancia Tecnológica Exploratoria/Benchmarking Tecnológico | 3 o más | 2 | 1 |
| DVDI | 366 | Estudio preliminar de mercado/Quicklook/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle | 3 o más | 2 | 1 |
| DVDI | 367 | Mapa de Ruta Tecnológica completo (con mayor grado de detalle) | 3 o más | 2 | 1 |
| DVDI | 368 | Modelo de Negocio (Business Model Canvas) y Ruta de Comercialización (Commercialization Roadmap)/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle | 3 o más | 2 | 1 |
| DVDI | 369 | Mapa de Ruta Tecnológica por sesión | 3 o más | 2 | 1 |



ANEXO II POLÍTICA ESPECÍFICA DE SERVICIOS CLÍNICOS

La presente política específica de los servicios clínicos es una guía para la asignación de los Niveles del Tabulador de Cuotas de Recuperación del Inmegen (Tabulador en adelante), aplicable a cada servicio solicitado por las personas usuarias.

La presente política específica es aplicable a los SERVICIOS CLÍNICOS (**Sección B del Tabulador**) comprendidos en las claves de departamento 189 a 342, realizados en el Laboratorio de Diagnóstico Genómico (LDG).

La correcta aplicación de esta política específica considera el cumplimiento del siguiente clausulado:

1. Las cuotas de los niveles, **Nivel 1** y **Nivel 2** para los **servicios clínicos** se aplicarán de manera preferente a:

El **Nivel 1** será de aplicación a la comunidad del INMEGEN y a los **pacientes referidos* del sector público de salud** en México.

El **Nivel 2** será de aplicación a las Fundaciones sin ánimo de lucro, Asociaciones de la Sociedad Civil y **pacientes referidos* directamente al INMEGEN por el sector privado**.

Se entiende por comunidad Inmegen al personal contratado con carácter de servidor público por el Instituto.

***Requisito para avalar a los pacientes referidos:** Presentar y entregar la hoja de referencia de la institución pública o privada, incluyendo a los pacientes atendidos por los médicos genetistas del Inmegen.

2. La asignación de los Niveles de cuotas 2, 3 y 4 para los **servicios clínicos**, solicitados por cualquier usuario diferente a los establecidos en la cláusula 1 de la presente política específica, dependerá del volumen (cantidad) de servicios solicitados por cada clave de servicio indicada en la cotización correspondiente.

El Nivel 2 corresponderá a solicitudes con un volumen alto de servicios, el Nivel 3 a solicitudes con un volumen medio de servicios y el Nivel 4 a solicitudes con un volumen bajo de servicios.

3. Los servicios 338 y 339 solicitados para un programa nacional de tamizaje neonatal estarán sujetos a condiciones de convenios de servicios. Actualmente, estos servicios están validados exclusivamente para fibrosis quística, para cualquier otro gen requiere de la validación clínica.

4. La persona usuaria deberá indicar al momento de solicitar la cotización del servicio o los servicios requeridos, quien será la persona física o moral encargada de cubrir el pago y deberá proporcionar los datos fiscales para la facturación. La cantidad de servicios por clave de servicio descrita en la cotización se empleará para generar el CFDI correspondiente.

5. En caso de existir un contrato o convenio vigente asociado con la prestación de **servicios clínicos** el nivel del servicio se ajustará a lo que se establezca en el clausulado de dicho contrato o convenio.

A continuación, se enlistan los servicios clínicos por el acrónimo del departamento (Depto.), clave del departamento (Clave del Depto.) y la denominación del servicio del Tabulador, con el rango de volumen a considerar por cada servicio para la asignación de los Niveles 2, 3 y 4.

Anexo II

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|------------------------------|------------------|---|----------------------|-----------------------|----------------------|
| B. SERVICIOS CLÍNICOS | | | | | |
| LDG | 189 | Quimerismo análisis de 3 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 190 | Procesamiento Quimerismo análisis de 3 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 191 | Quimerismo análisis de 2 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 192 | Procesamiento Quimerismo análisis de 2 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 193 | Quimerismo análisis de 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 194 | Procesamiento Quimerismo análisis de 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 195 | Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 196 | Procesamiento Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA | 3 o más | 2 | 1 |



ANEXO II

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|--|----------------------|-----------------------|----------------------|
| LDG | 197 | Farmacogenómica 2 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 198 | Procesamiento Farmacogenómica 2 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 199 | Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 200 | Procesamiento Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 201 | Panel de sensibilidad a Warfarina, 4 SNPs 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 202 | Procesamiento Panel de sensibilidad a Warfarina, 4 SNPs 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 203 | Panel de sensibilidad a Acenocumarol, 4 SNPs 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 204 | Procesamiento Panel de sensibilidad a Acenocumarol, 4 SNPs 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 205 | Panel de Genotipificación de CYP2C19, 3 SNPs 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 206 | Procesamiento Panel de Genotipificación de CYP2C19, 3 SNPs 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 207 | Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológicos (Qiagen) 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 208 | Procesamiento Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológicos, (Qiagen) 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 209 | Extracción DNA (Qiagen), con tratamiento de RNase A, 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 210 | Procesamiento Extracción DNA (Qiagen), con tratamiento de RNase A, 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 211 | Extracción DNA de tejido en parafina (Qiagen) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 212 | Procesamiento Extracción DNA de tejido en parafina (Qiagen) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 213 | Extracción DNA de tejido en fresco | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 214 | Procesamiento Extracción DNA de tejido en fresco | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 215 | Perfil 17 marcadores STRS Ch Y 2 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 216 | Procesamiento 17 marcadores STRS ChY, 2 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 217 | Mutaciones dinámicas | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 218 | Perfil genético VERIFILER, 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 219 | Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 220 | Perfil genético VERIFILER, 2 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 221 | Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 2 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 222 | Perfil genético VERIFILER, 3 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 223 | Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 3 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 224 | Perfil genético VERIFILER, 4 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 225 | Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 4 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 226 | Perfil genético VERIFILER, 5 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 227 | Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 5 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 228 | Determinación de X Frágil (1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |



ANEXO II

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|---|----------------------|-----------------------|----------------------|
| LDG | 229 | Procesamiento de X Frágil (1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 230 | Determinación de X Frágil Metilación (1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 231 | Procesamiento de X Frágil Metilación (1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 232 | DMPK, Distrofia Muscular Miotónica Tipo 1, 1 muestra, sin extracción DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 233 | Procesamiento DMPK, Distrofia Muscular Miotónica Tipo 1, 1 muestra, sin extracción DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 234 | C9orf72 esclerosis lateral amiotrófica y la demencia frontotemporal hereditarias, 1 muestra, sin extracción DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 235 | Procesamiento C9orf72 esclerosis lateral amiotrófica y la demencia frontotemporal hereditarias, 1 muestra, sin extracción DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 236 | Extracción de DNA Maxwell a partir de sangre periférica o médula ósea (1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 237 | Determinación de MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 238 | Procesamiento MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 239 | Determinación de MLPA (1 gen, 1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 240 | Procesamiento MLPA (1 gen, 1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 241 | Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 242 | Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 243 | Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 6 muestras) NGS V.2 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 244 | Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 245 | Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 246 | Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 12 muestras) NGS V.2 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 247 | Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 248 | Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 249 | Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 24 muestras) NGS V.2 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 250 | Cuantificación Fluorimétrica de Ácido Nucleico QUBIT (1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 251 | Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 252 | Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 253 | Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 3 muestras) MISEQ | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 254 | Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 255 | Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 256 | Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 12 muestras) NEXTSEQ | 3 o más | 2 | 1 |



ANEXO II

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|---|----------------------|-----------------------|----------------------|
| LDG | 257 | Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos 24 muestras. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 258 | Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 259 | Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 260 | Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 261 | MA CGH+SNP 2*400 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 262 | Procesamiento MA CGH+SNP 2*400 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 263 | MA CGH+SNP 2*400 1 muestra (pool de 2 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 264 | MA CGH+SNP 4*180 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 265 | Procesamiento MA CGH+SNP 4*180 | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 266 | MA CGH+SNP 4*180 1 muestra (pool de 4 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 267 | Análisis bioinformático 1 a 2 genes | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 268 | Análisis bioinformático 3 a 10 genes | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 269 | Análisis bioinformático 11 a 20 genes | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 270 | Análisis bioinformático 21 a 30 genes | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 271 | CAS-36 24 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 272 | Procesamiento CAS-36 24 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 273 | CAS-36 1 muestra (pool de 24 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 274 | CAS-36 36 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 275 | Procesamiento CAS-36 36 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 276 | CAS-36 1 muestra (pool de 36 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 277 | Hereditary Cancer con NFE (16 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 278 | Procesamiento Hereditary Cancer con NFE 16 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 279 | 1 muestra Hereditary Cancer con NFE 16 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 280 | Interpretación de reporte clínico de TSC | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 281 | Interpretación de reporte clínico con alteración del número de copias | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 282 | Interpretación de reporte clínico | 3 o más | 2 | 1 |



ANEXO II

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|---|----------------------|-----------------------|----------------------|
| LDG | 283 | Asesoramiento Genético | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 284 | TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 285 | Procesamiento TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 286 | TSO500 1 muestra pareada DNA-RNA (pool de 8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 287 | TSO500 10 muestras DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 288 | Procesamiento TSO500 10 muestras DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 289 | TSO500 1 muestra DNA (pool de 10 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 290 | TSO500 3 muestras DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 291 | Procesamiento TSO500 3 muestras DNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 292 | TSO500 1 muestra DNA (pool de 3 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 293 | MA CGH 4*180 Custom 4 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 294 | Procesamiento MA CGH 4*180 Custom 4 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 295 | MA CGH 4*180 Custom 1 muestra (pool de 4 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 296 | Procesamiento MA CGH 4*180 Custom 1 muestra (pool de 4 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 297 | TSRNA PanCancer 8 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 298 | Procesamiento TSRNA PanCancer 8 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 299 | TSRNA PanCancer 1 muestra (pool de 8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 300 | Procesamiento TSRNA PanCancer 1 muestra (pool de 8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 301 | Extracción RNA | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 302 | Cáncer Hereditario Panel F 48 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 303 | Procesamiento Cáncer Hereditario Panel F 48 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 304 | Cáncer Hereditario Panel F 1 muestra (pool de 48 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 305 | Procesamiento Cáncer Hereditario Panel F 1 muestra (pool de 48 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 306 | Panel Mieloide ARMY 5 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 307 | Procesamiento Panel Mieloide ARMY 5 muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 308 | Panel Mieloide ARMY 1 muestra (pool 5 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 309 | Procesamiento Panel Mieloide ARMY 1 muestra (pool 5 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 310 | BRCA1/2 PRO (24 MUESTRAS) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 311 | Procesamiento BRCA1/2 PRO (24 MUESTRAS) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 312 | BRCA1/2 PRO 1 muestra (en pool de 24 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 313 | Procesamiento BRCA1/2 PRO 1 muestra (en pool de 24 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 314 | Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestras somáticas (8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 315 | Procesamiento Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestras somáticas (8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |



ANEXO II

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio | Nivel 2 Volumen alto | Nivel 3 Volumen medio | Nivel 4 Volumen bajo |
|--------|------------------|---|----------------------|-----------------------|----------------------|
| LDG | 316 | Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestra somática 1 muestra (en pool de 8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 317 | Procesamiento Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestra somática 1 muestra (en pool de 8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 318 | Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestras germinales (24 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 319 | Procesamiento Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestras germinales (24 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 320 | Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestra germinal 1 muestra (en pool de 24 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 321 | Procesamiento Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestra germinal 1 muestra (en pool de 24 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 322 | Exoma Clínico CES (8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 323 | Procesamiento Exoma Clínico CES (8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 324 | Exoma Clínico CES 1 muestra (en pool de 8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 325 | Procesamiento Exoma Clínico CES 1 muestra (en pool de 8 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 326 | Exoma Completo WES (4 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 327 | Procesamiento Exoma Completo WES (4 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 328 | Exoma Completo WES 1 muestra (en pool de 4 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 329 | Procesamiento Exoma Completo WES 1 muestra (en pool de 4 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 330 | Exoma Completo WES (12 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 331 | Procesamiento Exoma Completo WES (12 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 332 | Exoma Completo WES 1 muestra (en pool de 12 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 333 | Procesamiento Exoma Completo WES 1 muestra (en pool de 12 muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 334 | Tipificación HLA 16 Muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 335 | Procesamiento Tipificación HLA 16 Muestras | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 336 | Tipificación HLA 1 Muestra (en pool de 16 Muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 337 | Procesamiento Tipificación HLA 1 Muestra (en pool de 16 Muestras) | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 338 | Panel de genotipificación para confirmación de tamiz neonatal 2 genes 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG | 339 | Procesamiento Panel de genotipificación para confirmación de tamiz neonatal 2 genes 1 muestra | 3 o más | 2 | 1 |
| LDG-CG | 340 | Cariotipo en sangre periférica y médula ósea | 50 o más | 10 a 49 | 1 a 9 |
| LDG-CG | 341 | Cariotipo en líquido amniótico y tejido embrionario | 50 o más | 10 a 49 | 1 a 9 |
| LDG-CG | 342 | Hibridación in situ con fluorescencia en sangre periférica y médula ósea | 3 o más | 1 a 2 | |



ANEXO III

POLÍTICA ESPECÍFICA DE SERVICIOS DE LA DIRECCIÓN DE ENSEÑANZA Y DIVULGACIÓN (DED)

La presente política específica de los **servicios de enseñanza** es una guía para la asignación de los Niveles del Tabulador de Cuotas de Recuperación del Inmegen (Tabulador en adelante), aplicable a cada servicio solicitado por las personas usuarias.

La presente política específica comprende los **servicios de enseñanza (Sección E del Tabulador)** comprendidos en las claves de departamento 370 a 376, realizados por la Dirección de Enseñanza y Divulgación (DED).

| Depto. | Clave del Depto. | Denominación del servicio |
|--------|------------------|---|
| DED | 370 | Actividad académica en línea o virtual de 1-5 horas |
| DED | 371 | Actividad académica en línea o virtual de 6-10 horas |
| DED | 372 | Actividad académica en línea o virtual de 11-15 horas |
| DED | 373 | Actividad académica en línea o virtual de 16-20 horas |
| DED | 374 | Actividad académica en línea o virtual de 21-30 horas |
| DED | 375 | Actividad académica en línea o virtual de 31-40 horas |
| DED | 376 | Actividad académica presencial por día |

1. Debido a las condiciones cambiantes del mercado y a las necesidades particulares de las actividades académicas de Enseñanza y Divulgación, es que se clasifican las tarifas en cuatro Niveles en función de la modalidad y la duración de la actividad académica.

2. Definiciones y equivalencias:

2a. Actividad académica en línea/ virtual / presencial: Se refiere a cursos, talleres, diplomados y congresos, más aquellos que la DED identifique como tales.

2b. Un día de actividad académica presencial equivale a 8 horas.

2c. Si la actividad académica (presencial, virtual o en línea) supera el rango de horas o día establecido en este catálogo, el costo total se obtendrá de la siguiente forma aplicándose para todos los niveles del tabulador.

Para actividad académica virtual o en línea:

$$\begin{array}{l} \text{Costo del rango de horas} \\ \text{más alto} \end{array} + \begin{array}{l} \text{Costo del rango de horas} \\ \text{correspondientes a lo faltante para} \\ \text{completar el total de la duración de la} \\ \text{actividad} \end{array} = \begin{array}{l} \text{Costo total de la actividad} \\ \text{con base en el número de} \\ \text{horas} \end{array}$$

Para actividad académica presencial: Se multiplicará el costo asignado por nivel por el número de días que dure la actividad.

3. Para el servicio de actividad académica (presencial, virtual o en línea) se aplicará el Nivel correspondiente al tipo de perfil como se describe a continuación:

| Nivel del Tabulador | Tipo de perfil |
|---------------------|---|
| 1 | Empleados del Inmegen y alumnos del Programa de Participación Estudiantil |
| 2 | Estudiantes de instituciones públicas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones públicas |
| 3 | Estudiantes de instituciones privadas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones privadas |
| 4 | Público en General y Organizaciones Privadas |



ANEXO III

Requisitos para avalar el perfil:

3a. Empleados del Inmegen y alumnos del Programa de Participación Estudiantil.

Empleados del Inmegen: Presentar credencial vigente del Instituto.

Alumnos del Programa de Participación Estudiantil: Presentar credencial vigente del Instituto y estar debidamente registrado y en estatus "activo" en cualquiera de las estancias académicas del Programa de Participación Estudiantil (registrado en el Sistema de Administración Escolar).

3b. Estudiantes de instituciones públicas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones públicas.

Estudiantes: Presentar credencial vigente de su institución educativa y/o un documento emitido por la institución (constancia, certificado de estudios, etc.) donde se avale el perfil de estudiante activo.

Instituciones con convenios vigentes de colaboración académica: En este rubro se considera a toda persona que pertenezca a alguna institución pública con convenio de colaboración con el Inmegen. Se le solicitará credencial vigente o algún documento que avale su pertenencia a la institución para cotejar la información.

Médicos residentes: Presentar credencial vigente de la institución pública en la cual esté realizando su residencia, o algún documento que lo acredite como médico residente.

3c. Estudiantes de instituciones privadas con convenios vigentes de colaboración académica y médicos residentes de instituciones privadas.

Estudiantes: Presentar credencial vigente de su institución educativa y/o un documento emitido por la institución (constancia, certificado de estudios, etc.) donde se avale el perfil de estudiante activo.

Instituciones con convenios vigentes de colaboración académica: En este rubro se considera a toda persona que pertenezca a alguna institución privada con convenio de colaboración con el Inmegen. Se le solicitará credencial vigente o algún documento que avale su pertenencia a la institución para cotejar la información.

Médicos residentes: Presentar credencial vigente de la institución privada en la cual esté realizando su residencia, o algún documento que lo acredite como médico residente.

3d. Público en General y Organizaciones Privadas

Público en General: Para las actividades académicas que requieran un perfil específico, deberán presentar documento probatorio que se solicite según sea el caso (título, cédula profesional u otro).

Organizaciones Privadas: Credencial vigente de la empresa a la que pertenezca.

4. Perfil TASA CERO en el cobro

Para solicitar la TASA CERO en el cobro, las y los estudiantes y profesoras o profesores deberán presentar una credencial vigente de su institución y/o un documento emitido por la institución (constancia, certificado de estudios, etc.) en donde se avale su perfil activo, una carta de exposición de motivos y una carta de recomendación emitida por el tutor o responsable que avale que es un estudiante destacado.

La Subdirección de Formación Académica emitirá una Carta de aceptación de la solicitud TASA CERO en el cobro tras la revisión y validación de los documentos presentados por el interesado o la interesada.

La TASA CERO no es aplicable para las actividades académicas cuyo aval requiera un costo.

5. Constancias

El usuario pagará las constancias de actividades académicas (presencial, virtual o en línea) con aval universitario u otro que lo requiera, independientemente del Nivel del Tabulador correspondiente por la actividad.

6. Facturación

Para la facturación por los servicios contratados, deberá entregar en tiempo y forma los datos que solicite la Dirección de Administración.