

Ciudad de México, a 5 de septiembre de 2024

Oficio No. DGPYP- 1997 -2024

Asunto: Autorización de Tabuladores de Cuotas de Recuperación.

Dr. Jorge Meléndez Zajgla
Director General del Instituto Nacional de
Medicina Genómica
Presente

Me refiero al oficio No. INMG-DG-213-2023, mediante el cual envié la información correspondiente a la actualización de los Tabuladores de Cuotas de Recuperación de los Productos y Aprovechamientos para ese Instituto Nacional, a fin de solicitar su trámite ante la Secretaría de Hacienda y Crédito Público (SHCP).

Al respecto, con fundamento en el artículo 27 del Reglamento Interior de la Secretaría de Salud, 6 y 7 de la Ley Federal de Presupuesto y Responsabilidad Hacendaria, le envié copia del oficio No. 349-B-310, así como su anexo 1 con 15 páginas, mediante el cual la Unidad de Política de Ingresos no Tributarios y sobre Hidrocarburos (UPINT), autorizó la aplicación de los Tabuladores de Cuotas de Recuperación, con el cual se da respuesta a su solicitud.

Cabe mencionar, que la UPINT requiere se le informe la aplicación de las cuotas de recuperación autorizadas que cobrarán, con cinco días hábiles de anticipación de conformidad con lo establecido en el artículo 26 del Reglamento de la Ley Federal de las Entidades Paraestatales.

Sin más por el momento, aprovecho la ocasión para enviarle un cordial saludo.


Atentamente
El Director General



Mtro. Francisco Martínez Martínez



Elaboró



Lic. Marco Antonio Illescas Vázquez
Jefe de Departamento de Gestión de Compromisos Plurianuales y Recursos del FONDEN

Revisó



Mtro. Omar Israel Cosío Hernández
Subdirector de Análisis Presupuestal

Validó

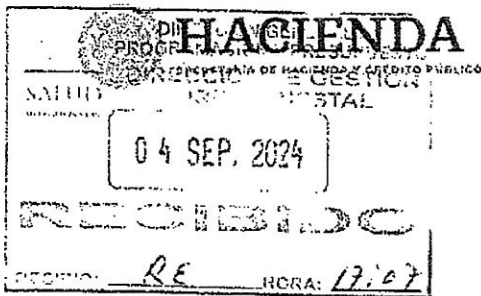


C.P. Rosa Eugenia García Ramírez
Directora de Gestión Presupuestal

c.c.p.- Mtro. Marco Vinicio Gallardo Enríquez, Titular de la Unidad de Administración y Finanzas de la Secretaría de Salud. – Conocimiento.

Sección/Serie: 3C.18
D/INGRESOS EXCEDENTES/2024 EXCEDENTES/Tabuladores/ Oficio se da a conocer Tabulador INMEGEN

5-09-2024

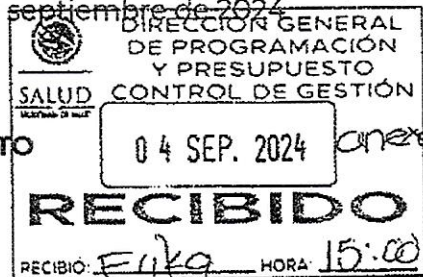


Oficio No. 349-B-310

Ciudad de México, a 02 de septiembre de 2024

F-3139

MTRO. FRANCISCO MARTÍNEZ MARTÍNEZ
DIRECTOR GENERAL DE PROGRAMACIÓN Y PRESUPUESTO
UNIDAD DE ADMINISTRACIÓN Y FINANZAS
SECRETARÍA DE SALUD
PRESENTE



Hago referencia a sus oficios Nos. DGPYP-2393-2023, DGPYP-2548-2023, DGPYP-2904-2023, DGPYP-290-2024, DGPYP-318-2024, DGPYP-452-2024, DGPYP-480-2024 y DGPYP-1143-2024; del 10 y 29 de noviembre y 28 de diciembre de 2023; 7 y 12 de febrero; 8 y 14 de marzo y 6 de junio del presente año, mediante los cuales remití para revisión y valoración de esta Secretaría las propuestas de actualización de los Tabuladores de Cuotas de Recuperación de los Institutos Nacionales de Medicina Genómica, de Geriátría, de Enfermedades Respiratorias Ismael Cosío Villegas, de Rehabilitación Luis Guillermo Ibarra Ibarra y de Salud Pública; del Hospital Infantil de México Federico Gómez e Institutos Nacionales de Pediatría y de Perinatología Isidro Espinosa de los Reyes, respectivamente.

Considerando que las propuestas tarifarias fueron revisadas y analizadas por esta Secretaría; que el incremento tarifario contribuirá a recuperar el rezago inflacionario de las cuotas de recuperación; que los órganos de gobierno de las entidades autorizaron las modificaciones a los Tabuladores de Cuotas de Recuperación y su presentación ante esta Secretaría para su autorización; que con las modificaciones propuestas por los organismos se adecuarán sus tabuladores a sus necesidades operativas; que con oficios Nos. 192.2024.2594 y 192.2024.2665 del 21 de agosto del año en curso, la Secretaría de Economía emitió su opinión sobre las propuestas tarifarias de referencia; y con fundamento en los artículos 31, fracción X de la Ley Orgánica de la Administración Pública Federal; 15, fracción V de la Ley de Planeación; y 17, fracción VI del Reglamento Interior de la Secretaría de Hacienda y Crédito Público; esta Secretaría autoriza a partir del 17 de septiembre del presente año, las modificaciones a los Tabuladores de Cuotas de Recuperación de las siguientes entidades:

- Instituto Nacional de Medicina Genómica (Anexo 1, 15 páginas);
- Instituto Nacional de Geriátría (Anexo 2, 2 páginas);
- Instituto Nacional de Enfermedades Respiratorias Ismael Cosío Villegas (Anexo 3, 5 páginas y Anexo 4, 1 página);



- Instituto Nacional de Rehabilitación Luis Guillermo Ibarra Ibarra (Anexo 5, 30 páginas);
- Instituto Nacional de Salud Pública (Anexo 6, 9 páginas);
- Hospital Infantil de México Federico Gómez (Anexo 7, 68 páginas);
- Instituto Nacional de Pediatría (Anexo 8, 52 páginas); e
- Instituto Nacional de Perinatología Isidro Espinosa de los Reyes (Anexo 9, 29 páginas).

No omito señalar que las entidades deberán informar a esta Secretaría la aplicación de las cuotas de recuperación autorizadas que cobrarán, con cinco días hábiles de anticipación de conformidad con lo establecido en el artículo 26 del Reglamento de la Ley Federal de las Entidades Paraestatales.

Asimismo, a las cuotas de recuperación citadas en los anexos se les adicionará el Impuesto al Valor Agregado (IVA) de conformidad con la legislación vigente en la materia.

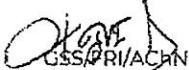
Finalmente, la presente autorización se realiza con base en la información proporcionada por los organismos sin que esta Unidad Administrativa prejuzgue sobre la pertinencia, oportunidad, veracidad y alcance de la misma.

Sin más por el momento, aprovecho la ocasión para enviarle un cordial saludo.

ATENTAMENTE
EL TITULAR DE LA UNIDAD

ADÁN ENRIQUE GARCÍA RAMOS

C. c. p. Lic. Gilberto Sosa Sánchez. Director General de Política de Ingresos no Tributarios, SSHCP. Para su conocimiento.
Mtro. Fernando Ramírez Ibarra. Coordinador de Política de Ingresos no Tributarios, SSHCP. Mismo fin.


GSS/PRI/ACHN

Reg. EUPINTSH23-577 y 610; EUPINTSH24-017, 108, 115, 180, 196 y 427.



Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
A. SERVICIOS DE INVESTIGACIÓN						
Usec						
Usec	1	Secuenciación capilar, por reacción	277	347	416	485
Usec	2	Secuenciación capilar directa, por reacción	355	444	533	622
Usec	3	Lectura de Fluorescencia Capilar, por reacción	102	127	152	178
Usec	4	Microsatélites, por reacción	110	137	164	192
Usec	5	Cuantificación ácidos nucleicos RNasa P, por reacción	144	180	216	252
Usec	6	Cuantificación de ácidos nucleicos, fluorímetro, por reacción	80	101	121	141
Usec	7	Enriquecimiento exoma, por muestra	9,424	11,780	14,136	16,492
Usec	8	Elaboración de biblioteca (AmpliSeq), por pool	5,425	6,782	8,138	9,495
Usec	9	Elaboración biblioteca IT, por muestra	4,674	5,843	7,011	8,180
Usec	10	Elaboración biblioteca DNA Pane	922	1,152	1,382	1,613
Usec	11	Elaboración biblioteca DNA Nano	1,841	2,301	2,761	3,222
Usec	12	Elaboración biblioteca DNA Exom	2,314	2,892	3,471	4,049
Usec	13	Elaboración biblioteca DNA Next	1,643	2,054	2,464	2,875
Usec	14	Elaboración biblioteca RNA Tot	3,833	4,792	5,750	6,708
Usec	15	Elaboración biblioteca mRNA	2,353	2,941	3,529	4,117
Usec	16	Elaboración biblioteca smallRNA	3,965	4,956	5,948	6,939
Usec	17	Elaboración biblioteca SCx4	38,663	48,329	57,995	67,661
Usec	18	Electroforesis automatizada por chip (control de calidad biomoléculas)	199	248	298	348
Usec	19	Cuantificación de biblioteca IT, por reacción	176	220	264	308
Usec	20	Cuantificación de biblioteca Kappa, por reacción	91	114	137	160
Usec	21	Amplificación clonal mediante ePCR, por ensayo	6,042	7,553	9,063	10,574
Usec	22	Secuenciación mediante semiconductor, por chip	3,656	4,570	5,485	6,399
Usec	23	Procesamiento Semiconductor 314, por chip	1,164	1,455	1,747	2,038
Usec	24	Procesamiento Semiconductor 316, por chip	665	832	998	1,164
Usec	25	Procesamiento Semiconductor 318, por chip	931	1,164	1,397	1,630
Usec	26	Procesamiento Haloplex, 12 rnx	7,238	9,048	10,857	12,667
Usec	27	Purificación por AmpureBeads, por reacción	125	156	187	219
Usec	28	Procesamiento Amplicones std	219	274	329	384





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
USec	29	Procesamiento Amplicones index	306	383	459	536
USec	30	Cargado NextSeq, por chip	4,147	5,183	6,220	7,257
USec	31	Cargado MiSeq, por chip	2,637	3,297	3,956	4,615
USec	32	Secuenciación por síntesis NextSeq 76 Ciclos HO	56,758	70,948	85,138	99,327
USec	33	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos MO	48,877	61,096	73,315	85,534
USec	34	Secuenciación por síntesis NextSeq 150 Ciclos HO	103,967	129,959	155,950	181,942
USec	35	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos MO	68,018	85,022	102,027	119,031
USec	36	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos HO	160,134	200,167	240,201	280,234
USec	37	Secuenciación por síntesis MinS 300 MO	27,539	34,424	41,309	48,193
USec	38	Secuenciación por síntesis MinS 76 HO	37,184	46,480	55,776	65,072
USec	39	Secuenciación por síntesis MinS 150 HO	42,083	52,604	63,125	73,645
USec	40	Secuenciación por síntesis MinS 300 HO	62,605	78,256	93,907	109,559
USec	41	Secuenciación por síntesis MiSeq 600 Ciclos	52,909	66,136	79,363	92,590
USec	42	Secuenciación por síntesis MiSeq 300 Ciclos	36,976	46,220	55,464	64,708
USec	43	Secuenciación por síntesis MiSeq 500 Ciclos	41,261	51,577	61,892	72,207
USec	44	Secuenciación por síntesis MiSeq 150 Ciclos	30,062	37,577	45,093	52,608
USec	45	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 300	11,257	14,071	16,885	19,699
USec	46	Secuenciación por síntesis MiSeq NANO 500	14,141	17,676	21,212	24,747
USec	47	Cargado NextSeq 2000, por chip	4,134	5,167	6,201	7,234
USec	48	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P1	42,931	53,663	64,396	75,129
USec	49	Secuenciación por síntesis NextSeq 100 Ciclos P2	32,146	40,182	48,219	56,255
USec	50	Secuenciación por síntesis NextSeq 200 Ciclos P2	83,128	103,910	124,692	145,474
USec	51	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P2	116,236	145,295	174,354	203,413
USec	52	Secuenciación por síntesis NextSeq 100 Ciclos P3	100,211	125,264	150,316	175,369
USec	53	Secuenciación por síntesis NextSeq 200 Ciclos P3	137,080	171,351	205,621	239,891
USec	54	Secuenciación por síntesis NextSeq 300 Ciclos P3	181,284	226,604	271,925	317,246
USec	55	Secuenciación de variantes de SARS-CoV-2, por muestra	1,187	1,484	1,780	2,077
		Usec_Covid-19 2024				
USec	56	Extracción RNA mediante perlas magnéticas	194	243	292	340
USec	57	Ensayo de detección COVID19 rT-PCR Protocolo 2 (3 regiones genómicas)	333	416	499	583





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
USec	58	Prueba de diagnóstico COVID19	527	659	791	923
USec	59	Prueba serológica de detección de anticuerpos para SARS-CoV-2 IgG/IgM	259	324	389	453
USec	60	Prueba rápida para detección de antígeno COVID19	201	251	301	351
USec	61	Toma de muestra in situ, hisopado nasofaríngeo y saliva Prueba COVID19 (Por visita y hasta 50 muestras)	8,346	10,432	12,519	14,605
USec	62	Capacitación en la toma de muestra y embalaje para Prueba COVID19 (Por sesión)	3,275	4,093	4,912	5,731
USec	63	Cuantificación de carga viral	1,016	1,270	1,524	1,778
USec	64	Detección 3 en 1 de Covid-19, Flu AB y RSV	536	670	804	938
USec	65	Detección de patógenos virales (16 patógenos)	2,395	2,994	3,593	4,191
USec	66	Prueba de diagnóstico MPOX Protocolo Genes2Life	511	638	766	894
UMi						
UMi	67	Genotipificación genoma completo PI, por muestra	238	297	356	416
UMi	68	Epigenómica PI, por muestra	293	366	439	512
UMi	69	Genotipificación panel general PI, por muestra	233	292	350	408
UMi	70	Genotipificación panel ligamiento PI, por muestra	453	566	679	793
UMi	71	Control de calidad de biomoléculas PAg Bioanalizador, 12 muestras	252	315	378	441
UMi	72	Genotipificación genoma completo PA, por muestra	316	394	473	552
UMi	73	Expresión transcriptoma completo PA, por muestra	436	544	653	762
UMi	74	Expresión miRNA PA, por muestra	258	322	387	451
UMi	75	Citogenética molecular PA, por muestra	394	492	590	689
UMi	76	Control de calidad de biomoléculas PAg TapeStation, por muestra	215	268	322	376
UMi	77	Genotipificación Genoma completo LCG PI (muestra)	245	306	368	429
UMi	78	Control de Calidad para DNA (muestra)	179	224	269	314
UMi	79	Control de calidad de biomoléculas PBo Qsep100, por muestra	185	231	277	324
UMi	80	Escaneo PI (Laminilla)	394	493	592	690
LHiM						
LHiM	81	T. HE	36	45	54	63
LHiM	82	IHQ con abs	650	813	975	1,138
LHiM	83	IHQ sin abs	574	717	861	1,004





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
LHiM	84	Corte NL	25	31	37	43
LHiM	85	Corte congelación	42	52	62	73
LHiM	86	In_reinclusión	25	32	38	44
LHiM	87	IF con abs	821	1,027	1,232	1,438
LHiM	88	IF sin abs	828	1,035	1,242	1,449
LHiM	89	Fotomicrografía campo claro	211	264	316	369
LHiM	90	TMA	80	100	120	140
LHiM	91	P. compl. c/formalina	98	123	147	172
LHiM	92	T. Masson	88	110	132	154
LHiM	93	T. Perls	55	69	82	96
LHiM	94	T. PAS	69	87	104	121
LHiM	95	T. Retículo	161	202	242	283
LHiM	96	T. A. Alciano	72	90	108	127
LHiM	97	T. DAPI	266	332	399	465
LHiM	98	T. Texas red faloidina	298	372	447	521
LHiM	99	T. Alexa 488 faloidina	301	377	452	527
LHiM	100	T. Mitotracker red	308	384	461	538
LHiM	101	T. Naranja acridina	265	332	398	464
LHiM	102	T. Luxol Fast Blue	75	94	112	131
LHiM	103	Corte electrocargada	73	91	109	127
LHiM	104	Corte polyisina	28	35	42	49
LHiM	105	Montaje IF	256	319	383	447
LHiM	106	Montaje IHQ, HQ	36	46	55	64
LHiM	107	Procesamiento múltiple	149	187	224	261
LHiM	108	M. Luz con cámara	19	24	28	33
LHiM	109	Punch	24	30	36	42
LHiM	110	T. R. oleoso	65	81	97	113
LHiM	111	T. R. congo	68	84	101	118
LHiM	112	M. Flourescencia (1 min)	28	34	41	48
LHiM	113	Rehidratación PBS	57	72	86	100
LHiM	114	Rehidratación AD	63	78	94	110





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1 INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN (Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
LHiM	115	Corte extracción	78	97	117	136
LHiM	116	P. células F	28	35	42	49
LHiM	117	P. células SF	27	34	41	48
LHiM	118	P. compl. S/F	100	126	151	176
LHiM	119	Análisis L 1 min	13	17	20	24
LHiM	120	E. celularidad neoplásica	329	411	494	576
LHiM	121	Corte SL	36	45	55	64
LHiM	122	Contratinción	78	97	116	136
LHiM	123	Rev. DAB	118	147	177	206
LHiM	124	T. DAPI-RP	167	209	251	293
LHiM	125	P. compl. SC. SF	144	180	216	252
LHiM	126	Corte cong. SL	55	69	83	96
LHiM	127	Corte cong. Poly	64	80	96	112
LHiM	128	Corte cong. Electrocargada	78	97	116	136
LHiM	129	Corte cong. R	50	63	75	88
LHiM	130	Descalcificación	64	81	97	113
LHiM	131	Corte L. NL-R	42	52	62	73
LHiM	132	Corte L. P-R	36	45	54	63
LHiM	133	Corte L. E-R	55	69	83	96
LHiM	134	IHQ. Sist. Detección-R	109	136	164	191
LHiM	135	Fijación. Foramalina-R	33	41	50	58
LHiM	136	Fijación. Paraformaldehído 4%-RP	33	42	50	58
LHiM	137	Montaje R.	54	68	82	95
LHiM	138	Montaje I.	33	42	50	58
LHiM	139	Básicos HQ	51	64	77	90
LHiM	140	Criostato por min	7	9	11	13
LHiM	141	IHQ para diagnóstico	1,493	1,866	2,239	2,613
LHiM	142	Bloque corte y tinción para diagnóstico	53	66	79	92
LHiM	143	Procesamiento corte tinción para diagnóstico	204	255	305	356
LHiM	144	IHQ con diagnóstico	1,901	2,376	2,852	3,327
LHiM	145	Bloque corte y tinción con diagnóstico	257	322	386	450





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
LHiM	146	Procesamiento corte tinción con diagnóstico	408	510	612	715
		UPro				
UPro	147	Gel 1D 7cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor)	731	913	1,096	1,279
UPro	148	Gel 1D 7cm Coomassie (sin BE) (cantidad: 1 gel de 7x7cm con 10 carriles de 1mm de grosor; no incluye buffer de extracción para 2D)	579	724	869	1,014
UPro	149	Lowry modificado (1x duplicado) (cantidad: 1 muestra más una réplica)	164	205	246	287
UPro	150	2D Quant kit (Curva estándar y una muestra más una réplica)	426	533	639	746
UPro	151	Depleción de Albúmina-IgGs (cantidad: 1 muestra de 150 ul de suero, plasma o extracto proteico de biopsia)	1,000	1,250	1,500	1,750
UPro	152	IEF 7 cm pH 3-10 (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,410	1,762	2,115	2,467
UPro	153	IEF 7 cm pH 3-10NL, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,410	1,762	2,115	2,467
UPro	154	IEF 18 cm pH 3-10NL (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,219	1,523	1,828	2,132
UPro	155	IEF 24 cm pH 3-10, pH 4-7 (cantidad: 1 tira; una muestra)	1,245	1,556	1,867	2,178
UPro	156	Gel 2D 7 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	1,696	2,120	2,545	2,969
UPro	157	Gel 2D 7 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	2,126	2,658	3,190	3,721
UPro	158	Gel 2D 7 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 7x7 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	2,360	2,951	3,541	4,131
UPro	159	Gel 2D 13 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	3,441	4,302	5,162	6,022
UPro	160	Gel 2D 13 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,664	5,830	6,996	8,162
UPro	161	Gel 2D 13 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 13x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	5,951	7,439	8,927	10,414
UPro	162	Gel 2D 18 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	2,908	3,636	4,363	5,090
UPro	163	Gel 2D 18 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,214	5,267	6,321	7,374
UPro	164	Gel 2D 18 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 18x20 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	5,427	6,784	8,141	9,498





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
UPro	165	Gel 2D 24 cm Coomassie (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,189	5,236	6,283	7,330
UPro	166	Gel 2D 24 cm Oriole (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	4,885	6,106	7,327	8,548
UPro	167	Gel 2D 24 cm Sypro (cantidad: 1 gel de 24x24 cm y 1 mm de grosor; una muestra)	6,691	8,363	10,036	11,709
UPro	168	Comparación geles 2D	8,385	10,481	12,577	14,674
UPro	169	DIGE: 2D 24cm CyDye Min	10,061	12,577	15,092	17,607
UPro	170	DIGE: 2D 24cm CyDye Sat	5,384	6,731	8,077	9,423
UPro	171	Comparación geles DIGE	9,047	11,309	13,571	15,832
UPro	172	MS Metabólica	5,698	7,123	8,547	9,972
UPro	173	Omnisec	2,353	2,941	3,529	4,117
UPro	174	Digestión de banda 1D	1,504	1,880	2,256	2,632
UPro	175	Digestión en spot	1,656	2,070	2,484	2,898
UPro	176	Digestión en solución con limpieza de péptidos 50µg	1,329	1,661	1,993	2,325
UPro	177	Digestión en solución sin limpieza de péptidos 50µg	1,218	1,523	1,827	2,132
UCIF						
UCIF	178	Lectura FACSAria	390	487	585	682
UCIF	179	Separación Celular	632	790	948	1,106
UCIF	180	Perlas de Compensación	61	77	92	108
UCIF	181	Uso reactivo / CYCLESTEST PLUS DNA REAGENT KIT (1 test)	143	179	215	251
UCIF	182	Single Cell Viabilidad	505	632	758	884
UCIF	183	Lectura ATTUNE	338	422	507	591
UCIF	184	Anexina V	53	66	79	92
UCIF	185	Viabilidad Celular	106	132	158	185
LEMAN						
LEMAN	186	Extracción de DNA de sangre de 400 µl en placa de 96 con cuantificación Qiubit, por muestra	224	280	336	392
LEMAN	187	Extracción de DNA de sangre de 500 µl a 2 ml en placa de 24, por muestra	376	470	564	658
LEMAN	188	Extracción de DNA de sangre de 400 µl en placa de 96 con cuantificación NanoDrop, por muestra	205	256	307	358





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
B. SERVICIOS CLÍNICOS						
LDG	189	Quimerismo análisis de 3 muestras	1,973	2,466	2,959	3,452
LDG	190	Procesamiento Quimerismo análisis de 3 muestras	1,059	1,323	1,588	1,853
LDG	191	Quimerismo análisis de 2 muestras	1,618	2,023	2,427	2,832
LDG	192	Procesamiento Quimerismo análisis de 2 muestras	870	1,088	1,305	1,523
LDG	193	Quimerismo análisis de 1 muestra	1,263	1,579	1,895	2,211
LDG	194	Procesamiento Quimerismo análisis de 1 muestra	682	852	1,022	1,193
LDG	195	Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	833	1,042	1,250	1,458
LDG	196	Procesamiento Farmacogenómica 1 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	697	872	1,046	1,220
LDG	197	Farmacogenómica 2 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	1,170	1,462	1,755	2,047
LDG	198	Procesamiento Farmacogenómica 2 SNP en 1 muestra, sin extracción de DNA	898	1,122	1,347	1,571
LDG	199	Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	1,506	1,883	2,260	2,636
LDG	200	Procesamiento Farmacogenómica de TPMT o CYP2C9, 3 SNPs 1 muestra	1,098	1,373	1,648	1,922
LDG	201	Panel de sensibilidad a Warfarina, 4 SNPs 1 muestra	1,838	2,298	2,757	3,217
LDG	202	Procesamiento Panel de sensibilidad a Warfarina, 4 SNPs 1 muestra	1,294	1,618	1,941	2,265
LDG	203	Panel de sensibilidad a Acenocumarol, 4 SNPs 1 muestra	1,838	2,298	2,757	3,217
LDG	204	Procesamiento Panel de sensibilidad a Acenocumarol, 4 SNPs 1 muestra	1,294	1,618	1,941	2,265
LDG	205	Panel de Genotipificación de CYP2C19, 3 SNPs 1 muestra	1,506	1,883	2,260	2,636
LDG	206	Procesamiento Panel de Genotipificación de CYP2C19, 3 SNPs 1 muestra	1,098	1,373	1,648	1,922
LDG	207	Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológicos (Qiagen) 1 muestra	664	830	996	1,162
LDG	208	Procesamiento Extracción DNA, sangre, capa leucoplaquetaria, líquidos biológicos, (Qiagen) 1 muestra	567	709	851	992
LDG	209	Extracción DNA (Qiagen), con tratamiento de RNase A, 1 muestra	681	851	1,021	1,191
LDG	210	Procesamiento Extracción DNA (Qiagen), con tratamiento de RNase A, 1 muestra	584	729	875	1,021





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1 INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN (Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
LDG	211	Extracción DNA de tejido en parafina (Qiagen)	932	1,165	1,398	1,631
LDG	212	Procesamiento Extracción DNA de tejido en parafina (Qiagen)	749	936	1,123	1,311
LDG	213	Extracción DNA de tejido en fresco	861	1,077	1,292	1,508
LDG	214	Procesamiento Extracción DNA de tejido en fresco	708	885	1,062	1,239
LDG	215	Perfil 17 marcadores STRS Ch Y 2 muestras	2,086	2,607	3,129	3,650
LDG	216	Procesamiento 17 marcadores STRS ChY, 2 muestras	1,072	1,339	1,607	1,875
LDG	217	Mutaciones dinámicas	1,257	1,572	1,886	2,200
LDG	218	Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	1,785	2,231	2,677	3,124
LDG	219	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 1 muestra	1,090	1,363	1,635	1,908
LDG	220	Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	2,038	2,547	3,057	3,566
LDG	221	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 2 muestras	1,145	1,431	1,717	2,003
LDG	222	Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	2,291	2,864	3,437	4,009
LDG	223	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 3 muestras	1,199	1,499	1,799	2,099
LDG	224	Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	2,544	3,180	3,816	4,452
LDG	225	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 4 muestras	1,254	1,567	1,880	2,194
LDG	226	Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	2,820	3,525	4,230	4,936
LDG	227	Procesamiento Perfil genético VERIFILER, 5 muestras	1,331	1,664	1,997	2,330
LDG	228	Determinación de X Frágil (1 muestra)	3,702	4,627	5,552	6,478
LDG	229	Procesamiento de X Frágil (1 muestra)	1,038	1,297	1,557	1,816
LDG	230	Determinación de X Frágil Metilación (1 muestra)	6,382	7,977	9,572	11,168
LDG	231	Procesamiento de X Frágil Metilación (1 muestra)	1,153	1,442	1,730	2,018
LDG	232	DMPK, Distrofia Muscular Miotónica Tipo 1, 1 muestra, sin extracción DNA	4,387	5,484	6,580	7,677
LDG	233	Procesamiento DMPK, Distrofia Muscular Miotónica Tipo 1, 1 muestra, sin extracción DNA	735	919	1,103	1,286
LDG	234	C9orf72 esclerosis lateral amiotrófica y la demencia frontotemporal hereditarias, 1 muestra, sin extracción DNA	4,914	6,143	7,371	8,600
LDG	235	Procesamiento C9orf72 esclerosis lateral amiotrófica y la demencia frontotemporal hereditarias, 1 muestra, sin extracción DNA	790	987	1,185	1,382
LDG	236	Extracción de DNA Maxwell a partir de sangre periférica o médula ósea (1 muestra)	440	550	660	770





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
LDG	237	Determinación de MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	6,889	8,611	10,333	12,056
LDG	238	Procesamiento MLPA Metilación (1 gen, 1 muestra)	1,924	2,405	2,886	3,367
LDG	239	Determinación de MLPA (1 gen, 1 muestra)	6,323	7,904	9,485	11,066
LDG	240	Procesamiento MLPA (1 gen, 1 muestra)	1,359	1,698	2,038	2,378
LDG	241	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	36,077	45,096	54,115	63,134
LDG	242	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (6 muestras) NGS V.2	9,225	11,531	13,837	16,143
LDG	243	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 6 muestras) NGS V.2	6,013	7,516	9,019	10,522
LDG	244	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	64,405	80,506	96,608	112,709
LDG	245	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (12 muestras) NGS V.2	13,441	16,802	20,162	23,522
LDG	246	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 12 muestras) NGS V.2	5,367	6,709	8,051	9,392
LDG	247	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	126,642	158,302	189,963	221,623
LDG	248	Procesamiento tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 (24 muestras) NGS V.2	19,141	23,926	28,711	33,496
LDG	249	Tipificación HLA-A, B, C, DRB1(DRB3/4/5), DQA1, DQB1, DPB1 1 muestra (pool de 24 muestras) NGS V.2	5,277	6,596	7,915	9,234
LDG	250	Cuantificación Fluorimétrica de Ácido Nucleico QUBIT (1 muestra)	134	168	201	235
LDG	251	Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	58,167	72,709	87,251	101,792
LDG	252	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (3 muestras) MISEQ	6,930	8,662	10,395	12,127
LDG	253	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 3 muestras) MISEQ	19,389	24,236	29,084	33,931
LDG	254	Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	129,366	161,707	194,048	226,390
LDG	255	Procesamiento Panel Mini Exoma TSO (12 muestras) NEXTSEQ	10,546	13,183	15,820	18,456
LDG	256	Panel Mini Exoma TSO 1 muestra (pool de 12 muestras) NEXTSEQ	10,780	13,476	16,171	18,866





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
LDC	257	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos 24 muestras. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)	4,480	5,600	6,720	7,840
LDC	258	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (1 muestra)	793	992	1,190	1,388
LDC	259	Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	107,525	134,406	161,287	188,169
LDC	260	Procesamiento Panel de Mutaciones Somáticas en Tumores Sólidos. Regiones Frecuentemente Mutadas en los Genes: AKT1, BRAF, EFGR, ERBB2, FOXL2, GNA11, GNAQ, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RET, TP53. NGS (24 muestras)	19,039	23,799	28,559	33,319
LDC	261	MA CGH+SNP 2*400	33,753	42,191	50,629	59,067
LDC	262	Procesamiento MA CGH+SNP 2*400	18,545	23,181	27,817	32,453
LDC	263	MA CGH+SNP 2*400 1 muestra (pool de 2 muestras)	16,876	21,096	25,315	29,534
LDC	264	MA CGH+SNP 4*180	53,704	67,131	80,557	93,983
LDC	265	Procesamiento MA CGH+SNP 4*180	31,093	38,866	46,639	54,412
LDC	266	MA CGH+SNP 4*180 1 muestra (pool de 4 muestras)	13,426	16,783	20,139	23,496
LDC	267	Análisis bioinformático 1 a 2 genes	486	607	728	850
LDC	268	Análisis bioinformático 3 a 10 genes	721	902	1,082	1,262
LDC	269	Análisis bioinformático 11 a 20 genes	1,193	1,491	1,789	2,088
LDC	270	Análisis bioinformático 21 a 30 genes	1,900	2,375	2,850	3,325
LDC	271	CAS-36 24 muestras	122,961	153,701	184,442	215,182
LDC	272	Procesamiento CAS-36 24 muestras	9,603	12,004	14,405	16,805
LDC	273	CAS-36 1 muestra (pool de 24 muestras)	5,123	6,404	7,685	8,966
LDC	274	CAS-36 36 muestras	174,303	217,878	261,454	305,029
LDC	275	Procesamiento CAS-36 36 muestras	12,083	15,104	18,125	21,145
LDC	276	CAS-36 1 muestra (pool de 36 muestras)	4,842	6,052	7,263	8,473
LDC	277	Hereditary Cancer con NFE (16 muestras)	100,244	125,306	150,367	175,428





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
LDG	278	Procesamiento Hereditary Cancer con NFE 16 muestras	13,682	17,103	20,524	23,944
LDG	279	1 muestra Hereditary Cancer con NFE 16 muestras	6,265	7,832	9,398	10,964
LDG	280	Interpretación de reporte clínico de TSC	1,306	1,632	1,958	2,285
LDG	281	Interpretación de reporte clínico con alteración del número de copias	1,700	2,125	2,550	2,975
LDG	282	Interpretación de reporte clínico	863	1,079	1,294	1,510
LDG	283	Asesoramiento Genético	622	778	933	1,089
LDG	284	TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	200,144	250,180	300,216	350,253
LDG	285	Procesamiento TSO500 8 muestras pareadas DNA-RNA	17,458	21,823	26,187	30,552
LDG	286	TSO500 1 muestra pareada DNA-RNA (pool de 8 muestras)	25,018	31,273	37,527	43,782
LDG	287	TSO500 10 muestras DNA	173,516	216,895	260,274	303,653
LDG	288	Procesamiento TSO500 10 muestras DNA	14,656	18,320	21,985	25,649
LDG	289	TSO500 1 muestra DNA (pool de 10 muestras)	17,352	21,689	26,027	30,365
LDG	290	TSO500 3 muestras DNA	38,712	48,390	58,068	67,747
LDG	291	Procesamiento TSO500 3 muestras DNA	7,043	8,804	10,565	12,326
LDG	292	TSO500 1 muestra DNA (pool de 3 muestras)	12,904	16,130	19,356	22,582
LDG	293	MA CGH 4*180 Custom 4 muestras	64,025	80,032	96,038	112,044
LDG	294	Procesamiento MA CGH 4*180 Custom 4 muestras	28,238	35,298	42,357	49,417
LDG	295	MA CGH 4*180 Custom 1 muestra (pool de 4 muestras)	16,006	20,008	24,009	28,011
LDG	296	Procesamiento MA CGH 4*180 Custom 1 muestra (pool de 4 muestras)	7,060	8,824	10,589	12,354
LDG	297	TSRNA PanCancer 8 muestras	58,582	73,227	87,873	102,518
LDG	298	Procesamiento TSRNA PanCancer 8 muestras	11,654	14,567	17,481	20,394
LDG	299	TSRNA PanCancer 1 muestra (pool de 8 muestras)	7,323	9,153	10,984	12,815
LDG	300	Procesamiento TSRNA PanCancer 1 muestra (pool de 8 muestras)	1,457	1,821	2,185	2,549
LDG	301	Extracción RNA	346	433	520	606
LDG	302	Cáncer Hereditario Panel F 48 muestras	320,339	400,424	480,509	560,593
LDG	303	Procesamiento Cáncer Hereditario Panel F 48 muestras	28,292	35,365	42,438	49,511
LDG	304	Cáncer Hereditario Panel F 1 muestra (pool de 48 muestras)	6,674	8,342	10,011	11,679
LDG	305	Procesamiento Cáncer Hereditario Panel F 1 muestra (pool de 48 muestras)	589	737	884	1,031





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1 INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN (Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
LDG	306	Panel Mieloide ARMY 5 muestras	62,958	78,697	94,436	110,176
LDG	307	Procesamiento Panel Mieloide ARMY 5 muestras	3,821	4,776	5,731	6,686
LDG	308	Panel Mieloide ARMY 1 muestra (pool 5 muestras)	12,592	15,739	18,887	22,035
LDG	309	Procesamiento Panel Mieloide ARMY 1 muestra (pool 5 muestras)	764	955	1,146	1,337
LDG	310	BRCA1/2 PRO (24 MUESTRAS)	94,135	117,668	141,202	164,736
LDG	311	Procesamiento BRCA1/2 PRO (24 MUESTRAS)	11,403	14,253	17,104	19,954
LDG	312	BRCA1/2 PRO 1 muestra (en pool de 24 muestras)	3,922	4,903	5,883	6,864
LDG	313	Procesamiento BRCA1/2 PRO 1 muestra (en pool de 24 muestras)	475	594	713	831
LDG	314	Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestras somáticas (8 muestras)	130,617	163,271	195,925	228,580
LDG	315	Procesamiento Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestras somáticas (8 muestras)	4,872	6,089	7,307	8,525
LDG	316	Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestra somática 1 muestra (en pool de 8 muestras)	16,327	20,409	24,491	28,572
LDG	317	Procesamiento Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestra somática 1 muestra (en pool de 8 muestras)	609	761	913	1,066
LDG	318	Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestras germinales (24muestras)	268,910	336,137	403,365	470,592
LDG	319	Procesamiento Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestras germinales (24 muestras)	10,479	13,098	15,718	18,338
LDG	320	Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestra germinal 1 muestra (en pool de 24muestras)	11,205	14,006	16,807	19,608
LDG	321	Procesamiento Genes de Recombinación Homóloga (HRS) muestra germinal 1 muestra (en pool de 24 muestras)	437	546	655	764
LDG	322	Exoma Clínico CES (8 muestras)	114,518	143,148	171,777	200,407
LDG	323	Procesamiento Exoma Clínico CES (8 muestras)	20,406	25,508	30,609	35,711
LDG	324	Exoma Clínico CES 1 muestra (en pool de 8 muestras)	14,315	17,893	21,472	25,051
LDG	325	Procesamiento Exoma Clínico CES 1 muestra (en pool de 8 muestras)	2,551	3,188	3,826	4,464
LDG	326	Exoma Completo WES (4 muestras)	87,638	109,547	131,457	153,366
LDG	327	Procesamiento Exoma Completo WES (4 muestras)	15,724	19,655	23,586	27,517
LDG	328	Exoma Completo WES 1 muestra (en pool de 4 muestras)	21,909	27,387	32,864	38,342





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
LDG	329	Procesamiento Exoma Completo WES 1 muestra (en pool de 4 muestras)	3,931	4,914	5,897	6,879
LDG	330	Exoma Completo WES (12 muestras)	240,394	300,492	360,590	420,689
LDG	331	Procesamiento Exoma Completo WES (12 muestras)	23,512	29,390	35,268	41,146
LDG	332	Exoma Completo WES 1 muestra (en pool de 12 muestras)	20,033	25,041	30,049	35,057
LDG	333	Procesamiento Exoma Completo WES 1 muestra (en pool de 12 muestras)	1,959	2,449	2,939	3,429
LDG	334	Tipificación HLA 16 Muestras	90,374	112,967	135,561	158,154
LDG	335	Procesamiento Tipificación HLA 16 Muestras	10,814	13,518	16,221	18,925
LDG	336	Tipificación HLA 1 Muestra (en pool de 16 Muestras)	5,648	7,060	8,473	9,885
LDG	337	Procesamiento Tipificación HLA 1 Muestra (en pool de 16 Muestras)	676	845	1,014	1,183
LDG	338	Panel de genotipificación para confirmación de tamiz neonatal 2 genes 1 muestra	3,701	4,626	5,551	6,476
LDG	339	Procesamiento Panel de genotipificación para confirmación de tamiz neonatal 2 genes 1 muestra	589	736	884	1,031
LDG	340	Cariotipo en sangre periférica y médula ósea	1,920	2,400	2,880	3,360
LDG	341	Cariotipo en líquido amniótico y tejido embrionario	3,264	4,081	4,897	5,713
LDG	342	Hibridación in situ con fluorescencia en sangre periférica y médula ósea	3,780	4,724	5,669	6,614
C. SERVICIOS DE DESARROLLO TECNOLÓGICO						
SSG	343	Consultor Bioingeniería (x hora)	346	433	519	606
SSG	344	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta monocanal (x pipeta)	88	110	132	154
SSG	345	Verificación volumétrica y ajuste de pipeta multicanal (x pipeta)	332	416	500	583
SSG	346	Sistema de medición de red fría (por sensor)	1,702	2,127	2,553	2,978
SSG	347	Monitoreo de red fría (x hora)	18	23	27	32
SB	348	Consultor Bioinformático Junior (x hora)	135	168	202	236
SB	349	Consultor Bioinformático Senior (x hora)	468	585	702	819
SB	350	Servicios de alta demanda o recurrentes (x hora)	135	168	202	236
SB	351	Servicio especializado (x hora)	429	537	644	751
SB	352	Análisis on premise (x hora)	333	416	500	583
SAE	353	Desarrollo de Software Senior (x hora)	507	634	761	888





Oficio No. 349-B-310

ANEXO 1
INSTITUTO NACIONAL DE MEDICINA GENÓMICA
TABULADOR DE CUOTAS DE RECUPERACIÓN
(Cifras en pesos)

Depto.	Clave del Depto.	Denominación del servicio	Nivel 1	Nivel 2	Nivel 3	Nivel 4
SAE	354	Desarrollo de Software Junior (x hora)	300	375	451	526
SAE	355	Mantenimiento de Aplicativo (x hora)	514	643	771	900
SAE	356	Consultoría de Desarrollo de Software Senior (x hora)	813	1,016	1,219	1,422
SAE	357	Consultoría de Desarrollo de Software Junior (x hora)	451	563	676	789
D. SERVICIOS DE CONSULTORÍA						
DI	358	Senior Científica, por hora	372	465	558	651
DI	359	Junior Científica, por hora	319	399	478	558
DVDI	360	Consultoría en gestión y transferencia de tecnología, por hora	376	470	564	658
DVDI	361	Análisis de patentabilidad de resultados de Investigación	17,684	22,105	26,525	30,946
DVDI	362	Análisis tecnológico comercial de resultados de investigación	17,684	22,105	26,525	30,946
DVDI	363	Redacción de solicitud de patente	30,557	38,196	45,836	53,475
DVDI	364	Redacción de solicitud de modelo de utilidad	21,208	26,509	31,811	37,113
DVDI	365	Vigilancia Tecnológica Exploratoria/Benchmarking Tecnológico	17,684	22,105	26,525	30,946
DVDI	366	Estudio preliminar de mercado/Quicklook/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	65,779	82,224	98,668	115,113
DVDI	367	Mapa de Ruta Tecnológica completo (con mayor grado de detalle)	65,779	82,224	98,668	115,113
DVDI	368	Modelo de Negocio (Business Model Canvas) y Ruta de Comercialización (Commercialization Roadmap)/Vigilancia Tecnológica con mayor grado de detalle	65,779	82,224	98,668	115,113
DVDI	369	Mapa de Ruta Tecnológica por sesión	3,006	3,757	4,509	5,260
E. SERVICIOS DE ENSEÑANZA						
DED	370	Actividad académica en línea o virtual de 1-5 horas	139	174	208	243
DED	371	Actividad académica en línea o virtual de 6-10 horas	249	311	374	436
DED	372	Actividad académica en línea o virtual de 11-15 horas	359	449	539	629
DED	373	Actividad académica en línea o virtual de 16-20 horas	783	978	1,174	1,369
DED	374	Actividad académica en línea o virtual de 21-30 horas	966	1,207	1,449	1,690
DED	375	Actividad académica en línea o virtual de 31-40 horas	1,275	1,593	1,912	2,231
DED	376	Actividad académica presencial por día	277	346	415	485

